



Evento	Salão UFRGS 2017: SIC - XXIX SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2017
Local	Campus do Vale
Título	IDENTIFICAÇÃO DE PARVOVÍRUS EM MORCEGOS ARTIBEUS LITURATUS
Autor	MARINA BERETTA DUARTE
Orientador	PAULO MICHEL ROEHE

IDENTIFICAÇÃO DE PARVOVÍRUS EM MORCEGOS *ARTIBEUS LITURATUS*

Marina Beretta Duarte¹, Paulo Michel Roehé¹

¹Universidade Federal do Rio Grande do Sul

Os animais silvestres podem atuar como reservatórios de vírus potencialmente patogênicos, inclusive para humanos. Dentre estes, os morcegos se destacam como reservatórios de patógenos zoonóticos emergentes. Até o presente, já foram identificados vírus potencialmente zoonóticos pertencentes a 15 famílias distintas, em aproximadamente duzentas espécies de morcegos ao redor do mundo. As atividades antropogênicas tendem a aumentar a interação entre morcegos, humanos e pecuária, aumentando o risco de exposição à vírus. O trabalho realizado tem como objetivo analisar a presença de parvovírus em morcegos do gênero *Artibeus* coletadas no perímetro periurbano na cidade de Maringá, Paraná. Suas anais foram coletados, eluídos em PBS e armazenados em *pools*. Após, cerca de 20 mL foram filtrados em 0,45µM seguido de ultracentrifugação em colchão de 25% de gradiente de sacarose. O *pellet* obtido foi dissolvido em tampão contendo EDTA e tratado durante 1h a 37°C com RNase e DNase para que apenas vírus protegidos por seus capsídeos resistissem. Após, procedeu-se a extração de DNA com fenol e precipitação com etanol. O DNA extraído foi submetido à amplificação randômica com a DNA polimerase do fago phi29. Após, foram construídas as bibliotecas genômicas para sequenciamento de alta performance. Até o presente, foram identificados dois fragmentos genômicos com similaridade de 70,9% à proteína do capsídeo viral e de 79,8% à proteína não estrutural do parvovírus de *Desmodus rotundus*. Tais resultados demonstram, pela primeira vez, a presença de parvovírus em morcegos da espécie *Artibeus lituratus*. Estes estudos serão continuados buscando identificar outros vírus que possam estar circulando nestes animais.

Palavras-chave: parvovírus, artibeus, sequenciamento de alta performance, zoonoses.